

Stagione influenzale 2014-2015

ITALIA

Nel corso della stagione 2014/15, nell'ambito delle attività di laboratorio, sono stati raccolti ed analizzati 10.299 campioni clinici, di questi, il 36% è risultato positivo al virus influenzale. Il primo virus della stagione è stato identificato nella settimana 41/2014. Il virus, di tipo A - sottotipo H1N1pdm09, è stato isolato presso l'Università degli studi di Palermo, da un campione clinico prelevato da paziente ricoverato, non vaccinato, che mostrava sintomatologia di tipo influenzale. Successivamente, la circolazione dei virus influenzali ha subito un graduale incremento, raggiungendo il picco più elevato tra la 3^a e la 6^a settimana del 2015 (Grafico 1), in corrispondenza del periodo di massima incidenza. In particolare, la percentuale di positività registrata ha raggiunto il picco più elevato (50%) nella 4^a settimana.

I ceppi di tipo A e B hanno co-circolato, sebbene i virus di tipo A siano risultati dominanti (84%) rispetto ai virus di tipo B (16%).

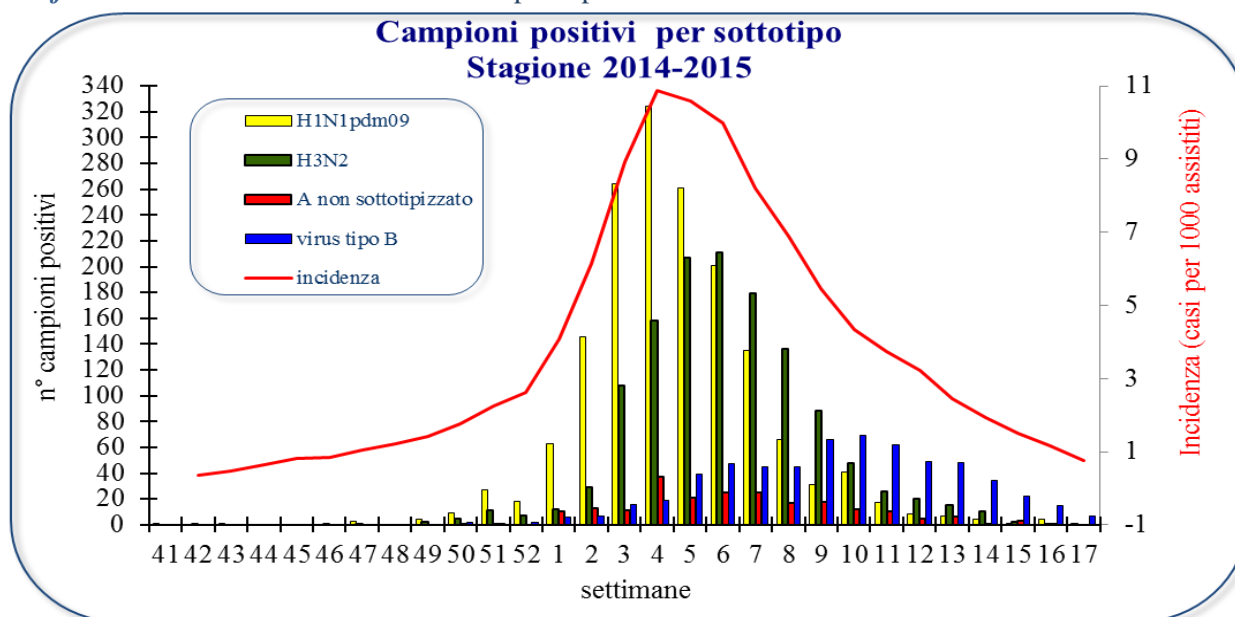
Nell'ambito del tipo A, sono stati prevalentemente isolati e/o identificati virus appartenenti al sottotipo H1N1pdm09 (52%) rispetto ai ceppi H3N2 (41%). Il restante 7% dei ceppi di tipo A non è stato sottotipizzato.

La maggior parte dei virus A(H1N1)pdm09 ha mostrato una buona reattività antigenica verso il ceppo A/California/7/2009, incluso nella composizione del vaccino per la stagione 2015/2016.

La caratterizzazione antigenica e molecolare dei virus A(H3N2) ha evidenziato una contemporanea circolazione di diverse varianti virali, anche se la maggior parte dei ceppi è risultata appartenere al sottogruppo genetico 3C.2a (A/Hong Kong/5738/2014) e in minor misura al sottogruppo genetico 3C.3 (A/Samara/73/2013) e 3C.3a (A/Switzerland/9715293/2013), incluso nel vaccino 2015/2016 per l'emisfero Nord.

I virus influenzali di tipo B appartenenti ai due lineaggi B/Yamagata/16/88 e B/Victoria/2/87 hanno co-circolato, ma il lineaggio B/Yamagata è risultato largamente predominante (97%). Inoltre, i ceppi appartenenti al lineaggio Yamagata afferiscono al gruppo genetico 3 (B/Phuket/3073/2013), incluso nella composizione vaccinale per la stagione 2015/2016.

Grafico 1 Andamento settimanale dei campioni positivi



NOTIZIE dal MONDO

Europa

I virus di tipo A e B hanno co-circolato durante la stagione e il sottotipo A/H3N2 è stato nettamente predominante.

Nella tabella 1 sono descritti i risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Europa nell'intero periodo di sorveglianza (a partire dalla settimana 40/2014).

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report dell'[ECDC](#).

Tabella 1 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Europa

Virus tipo/sottotipo	Stagione	
	Sentinella	Non-sentinella
Influenza A	10.680	64.015
A (H1N1)pdm 2009	2.316	6.730
A (H3)	658	35.021
A (non sottotipizzato)	7.690	22.259
Influenza B	5.304	28.351
B(Vic) lineage	32	39
B(Yam) lineage	1.340	2.480
Lineaggio in corso di caratterizzazione	3.932	25.832
Totale positivi	15.984	92.366

Dati aggiornati al 30 agosto 2015

USA

I virus di tipo A ed in particolare di sottotipo A/H3N2 sono risultati prevalenti per l'intera stagione di sorveglianza.

I virus di tipo B hanno co-circolato sin dal mese di novembre 2014, anche se con minore frequenza rispetto ai virus di tipo A.

Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo, si rimanda ai report settimanali del [CDC](#) e dell'[OMS](#)

