

Stagione influenzale 2012-2013

ITALIA

Nel corso della stagione 2012/13, nell'ambito delle attività di laboratorio, sono stati raccolti ed analizzati 5.535 campioni clinici, di cui 2.125 (39%) sono risultati positivi per il virus influenzale.

Il primo virus influenzale della stagione è stato identificato nella settimana 46/2012. Il virus, di tipo A sottotipo H3N2, è stato prelevato da un paziente appartenente alle categorie a rischio di complicanze, ricoverato presso l'ospedale San Martino di Genova. Successivamente, la circolazione dei virus influenzali ha subito un graduale incremento, raggiungendo il picco più elevato tra la 6^a e l'8^a settimana del 2013 (Figura 1), in corrispondenza del periodo di massima incidenza. In particolare, la percentuale di positività registrata ha raggiunto il picco più elevato (57%) nella 8^a settimana.

Anche quest'anno si è avuta la contemporanea circolazione di ceppi di tipo A e di tipo B, sebbene i virus di tipo B siano risultati prevalenti (58%) rispetto ai virus di tipo A (42%).

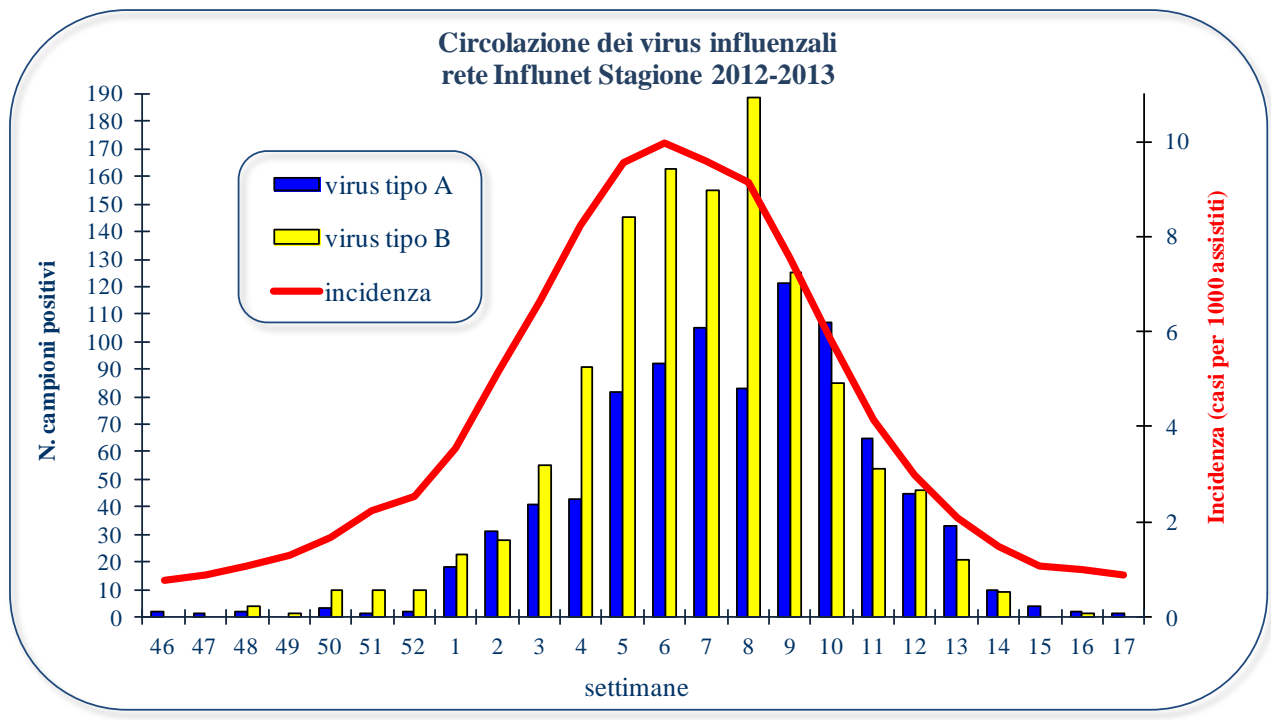
Nell'ambito del tipo A, sono stati prevalentemente isolati e/o identificati virus appartenenti al sottotipo H1N1pdm09 (80%), rispetto ai ceppi H3N2 (13%). Il restante 7% dei ceppi di tipo A non è stato sottotipizzato.

I risultati delle analisi di caratterizzazione antigenica e molecolare, effettuate sui ceppi A(H1N1)pdm09, hanno evidenziato l'omologia di questi virus con la variante A/California/7/2009, inclusa anche nella composizione del vaccino per la stagione 2013/2014.

La caratterizzazione antigenica e molecolare dei virus A(H3N2) ha evidenziato l'omologia dei ceppi circolanti con la variante A/Texas/50/2012 che, pur essendo antigenicamente indistinguibile dal ceppo A/Victoria/361/2011, contenuto nella composizione vaccinale precedente, ha mostrato una maggiore stabilità genetica nella fase di propagazione su substrati idonei alla produzione vaccinale.

Nell'ambito dei virus influenzali di tipo B, entrambi i lineaggi (B/Victoria/2/87 e B/Yamagata/16/88) hanno co-circolato durante l'intera stagione influenzale, sia pure con la netta prevalenza dei ceppi del lineaggio Yamagata (98%). I virus Victoria-like analizzati sono risultati antigenicamente indistinguibili dal ceppo B/Brisbane/60/2008, circolante dal 2009. Nella maggior parte dei virus appartenenti al lineaggio Yamagata, è stata evidenziata una maggiore correlazione antigenica con la nuova variante B/Massachusetts/2/2012, rispetto al ceppo B/Wisconsin/1/2010, contenuto nel vaccino 2012/2013. L'analisi molecolare e filogenetica ha confermato la sostanziale diversità delle due varianti, che risultano appartenere a due diversi gruppi genetici. Nel vaccino per la stagione 2013/2014 è stato, quindi, inserito il ceppo B/Massachusetts/2/2012.

Grafico 1 Andamento settimanale dei campioni positivi



NOTIZIE dal MONDO

Europa

I virus di tipo A sono risultati i dominanti per l'intera stagione, in particolare il sottotipo A(H1N1)pdm09. Nella tabella i risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Europa nell'intero periodo di sorveglianza (a partire dalla settimana 40/2012). Per ulteriori informazioni relative al quadro complessivo europeo, si rimanda ai report settimanali dell'[ECDC](#) e dell'[Euroflu](#).

Tabella 1 Risultati delle tipizzazioni/sottotipizzazioni dei virus influenzali circolanti in Europa nell'intero periodo di sorveglianza (40/2012-17/2013).

Virus tipo/sottotipo	Stagione	
	Sentinella	Non-sentinella
Influenza A	7.167	34.451
A (H1N1)pdm 2009	3.961	12.257
A (H3)	2.407	5.437
A (non sottotipizzato)	799	16.757
Influenza B	8.197	21.439
B(Vic) lineage	285	180
B(Yam) lineage	2.703	2.279
Lineaggio in corso di caratterizzazione	5.209	18.980
Totale positivi	15.364	55.890

USA

I virus di tipo A ed in particolare di sottotipo H3N2 sono risultati prevalenti per l'intera stagione di sorveglianza.

Per ulteriori informazioni è possibile consultare le pagine web del [CDC](#) e dell'[OMS](#).

L'elaborazione dei dati e la realizzazione del rapporto sono a cura della dott.ssa Annapina Palmieri (MIPI-ISS)